

大豆灰斑病(*Cercospora sojina* Hara)

抗病性的遗传分析

刘 忠 堂

(黑龙江省农业科学院合江农业科学研究所)

提 要

本研究通过8个杂交组合 F_1 、 F_2 、 F_3 和 B_1 代的调查统计分析,研究大豆对灰斑病抗病性的遗传。结果表明: F_1 代抗灰斑病为完全显性; F_2 代抗病与感病按 3 : 1 比例分离; F_2 代抗病单株后代 (F_3 代) 即出现一定比例的抗病系。抗病性分离系与抗病系分离比例为 2 : 1。 F_1 代以抗病亲本回交所产生的 B_1 代,均表现抗病;以感病亲本回交的 B_1 代,抗病与感病的分离比例为 1 : 1。因此,大豆对灰斑病抗病性是由一对基因控制的简单遗传。

大豆灰斑病 (*Cercospora sojina* Hara) 抗病性遗传规律的研究国外已有报导, Athow (1952) (3) 报导,大豆灰斑病美国 1, 2 号小种分别由一对显性基因所控制。王金陵教授 (1982) (1) 认为,大豆对灰斑病的遗传,表现为一对基因遗传。但是,在国内尚未见到关于大豆对灰斑病抗病性遗传的研究论文和报导。本研究以 8 个杂交组合为材料,通过对 F_1 、 F_2 、 F_3 和 B_1 代的调查分析,研究大豆对灰斑病抗病性的遗传规律,为抗灰斑病大豆育种提供理论依据。

一、试验材料与方法

1979 年 (F_0) 以经田间接种鉴定筛选出对灰斑病高抗的品种 Merit、Amsoy、Wilkin、合交 7719 为抗源亲本,以适当地条件、丰产性好的品种合交 77-275、合交 77-628、北交 69-1483、合辐 1262、克 4430-20 为另一亲本配制 8 个杂交组合,进行杂交,获得杂交种子。

1980 年 (F_1) 将其中的 6 个杂交组合,按组合编号顺序排列种植于田间,每组合前种父母本各 1 行。苗期和开花期去掉伪杂交株,接种后,于发病盛期目测法调查发病级别,以单株为单位收获 F_1 代种子。同时,对 2 个组合分别以抗病亲本与感病亲本进行回交,收获回交种子。

1981 年 (F_2) 将 F_1 的 6 个组合和回交的 2 个组合, 按组合单株编号播于田间, 每组合前种父母本各 1 行。接种后, 于发病盛期调查各组合与品系的发病情况, 调查感病与发病株数, 并收获抗病单株, 做 F_3 代研究材料。

1982 年 (F_3) 将 F_2 代收获的抗病单株, 按组合与单株编号播下, 每组合前种父母本各 1 行, 接种后, 在发病盛期调查抗病分离系与抗病系品系数。

对上述调查数据进行适合性测验。

试验在未进行隔离的自然条件下进行 (其他小种的干扰未能排除), 菌种采自宝清、饶河等病区 (为东北 1 号小种), 自病粒上分离, 用高粱粒培养基扩大繁殖。于七月上旬至八月上旬分 2—3 次, 用直接喷雾法接种, 所用孢子悬浮液浓度为每 10×10 视野有 5—15 个孢子, 每次每平方米用孢子悬浮液 75 毫升。

叶部发病级别标准:

0 级: 全区植株叶片无病或仅偶有病斑。

1 级: 多数植株仅极少数叶片发病, 发病叶片病斑数多在 5 个以下。

2 级: 多数植株少部分叶片发病, 发病叶片有少量病斑。

3 级: 植株大部分叶片发病, 发病叶片有中量至多量病斑。

4 级: 植株叶片普遍有多量病斑, 部分叶片因病提早枯死。

5 级: 植株叶片普遍有多量病斑, 多数叶片因病提早枯死。

发病 0—1 级为高抗, 2 级为抗, 2 级以上为感。

二、研究结果与分析

1. F_1 代表现

F_1 代 8 个杂交组合接种后对灰斑病的反应如表 1。

表 1 F_1 代各组合抗病性调查 佳木斯

组合与亲本	F_1 抗病性	组合与亲本	F_1 抗病性
Merit × 合交 77—275 (R) (S)	R	克 4430—20 × Amsoy (S) (R)	R
合交 77—275 × Merit (S) (R)	R	合交 7719 × 合辐 1262 (R) (S)	R
Amsoy × 北 69—1483 (R) (S)	R	合交 7719 × 合交 77—628 (R) (S)	R
北 69—1483 × Amsoy (S) (R)	R	合交 7719 × 合交 77—275 (R) (S)	R

注: R 为抗病, S 为感病。

表 1 看出, F_1 代无论是抗 × 感, 还是感 × 抗正交或反交组合, 对灰斑病的反应是一致的, 抗灰斑病都表现为完全显性。

2. F_2 代表现

F_2 代 6 个组合抗病性分离如表 2。

表 2

F₂ 代 6 个组合抗病性调查

佳木斯

组 合	总株数	抗病株数	感病株数	X ² (3:1)	P
合交7719×合辐282	208	158	50	0.1026	0.50—0.75
合交7719×合交77—628	211	164	47	0.8357	0.25—0.50
合交7719×合交7—275	193	147	46	0.1399	0.25—0.50
Merit×合交77—275	395	276	83	0.6769	0.25—0.50
合交77—275×Merit	324	248	76	0.4115	0.50—0.75
北69—1483×Amsoy	324	246	78	0.1481	0.50—0.75

表 2 调查结果表明, 在抗×感, 感×抗的各杂交组合中, F₂ 代抗病性开始分离, 抗病单株与感病单株的分离比例, 经适合性测验, 其 X² 值均小于理论 X² 值, P>0.25, 符合 3:1 的分离比例。

3. F₃ 代的表现

F₂ 代入选的抗病单株后代 (F₃ 代) 即出现一定比例的抗病系。在供试的 5 个组合中, 抗病分离系与抗病系的比例, 经适合性测验, 其 X² 值也小于理论 X² 值, 只有一个组合 P=0.05—0.10, 其余组合均 P>0.25, 符合 2:1 的分离比例 (表 3)

表 3

F₂ 抗病单株后代 (F₃) 品系抗病性调查

佳木斯

组 合	总品系数	抗病分离品系数	抗病品系数	X ² (2:1)	P
Merit×合交77—275	45	29	16	0.1000	0.75—0.90
合交77—275×Merit	45	32	13	0.4000	0.50—0.75
Amsoy×北69—1483	15	9	6	0.3000	0.50—0.75
北69—1483×Amsoy	30	25	5	3.7500	0.05—0.10
克4430—20×Amsoy	15	9	6	0.3000	0.50—0.75

4. B₁ 代的表现

在 F₁ 代将北 69—1483 (S) × Amsoy (R) 和合交 77—628 (S) × Wilkin (R) 两个组合分别用抗病亲本 Amsoy、Wilkin 和感病亲本北 69—1483、合交 77—628 进行回交, 结果如表 4。

表 4

B₁ 代抗病性调查

佳木斯

组 合	总株数	抗病株数	感病株数	X ² (1:1)	P
(北69—1483×Amsoy)×北69—1483	12	7	5	0.3333	0.50—0.75
(北69—1483×Amsoy)×Amsoy	27	27	0	—	—
(合交77—628×Wilkin)×合交77—628	35	18	17	0.0286	0.75—0.90
(合交77—628×Wilkin)×Wilkin	30	30	0	—	—

表 4 结果表明, 以抗病亲本回交, B₁ 代均表现抗灰斑病; 以感病亲本回交, B₁ 代抗病性分离, 其抗病与感病株的分离比例也符合 1:1, 经适合性测定 P>0.50。

三、结 论

1. 大豆对灰斑病的抗病性，是由一对基因控制的简单遗传。抗灰斑病由一对显性基因所控制，感灰斑病由一对隐性基因所控制。

2. 研究大豆对灰斑病抗病性的遗传规律，对指导抗灰斑病大豆育种具有十分重要的意义。它是决定杂交方式、后代选择方法的依据。

主 要 参 考 文 献

1. 王金陵：1982，大豆。黑龙江科学院技术出版社。
2. 浙江农业大学编：遗传学。农业出版社。
3. Athow K. L. et A. H. Probst: 1952, The inheritance of resistance to frog-eye leaf spot of soybeans, *Phytopath.* 42 : 660—662.

GENETIC ANALYSIS OF FROGEYE LEAF SPOT(*Cercospora sojina*
Hara) RESISTANCE IN SOYBEAN

Liu Zhongtang

(Hejiang Agricultural Institute, Heilongjiang Academy of
Agricultural Sciences)

Abstract

8 crossing combinations from resistant parents with susceptible ones were studied. The results of the research indicated that the resistance to frogeye leaf spot of soybean (*Cercospora sojina* Hara) of all of the F_1 appears to be dominant completely, the segregation ratio of the resistant to the susceptible of F_2 equal 3:1, there were quite a few resistant lines among F_3 from single resistant plant of F_2 with segregation ratio of 2:1 of resistant segregat to resistant lines. All of the generation B_1 from back crossing of F_2 with resistant parents are resistant while the generation B_1 from back crossing of F_2 with susceptible parents has segregation ratio of 3:1 of resistant to susceptible.

Therefore, it can be sure that the resistibility to the disease is a simple heredity manipulated by a pair of dominant genes. And susceptibility to that is controlled by a pair of recessive genes.

.